

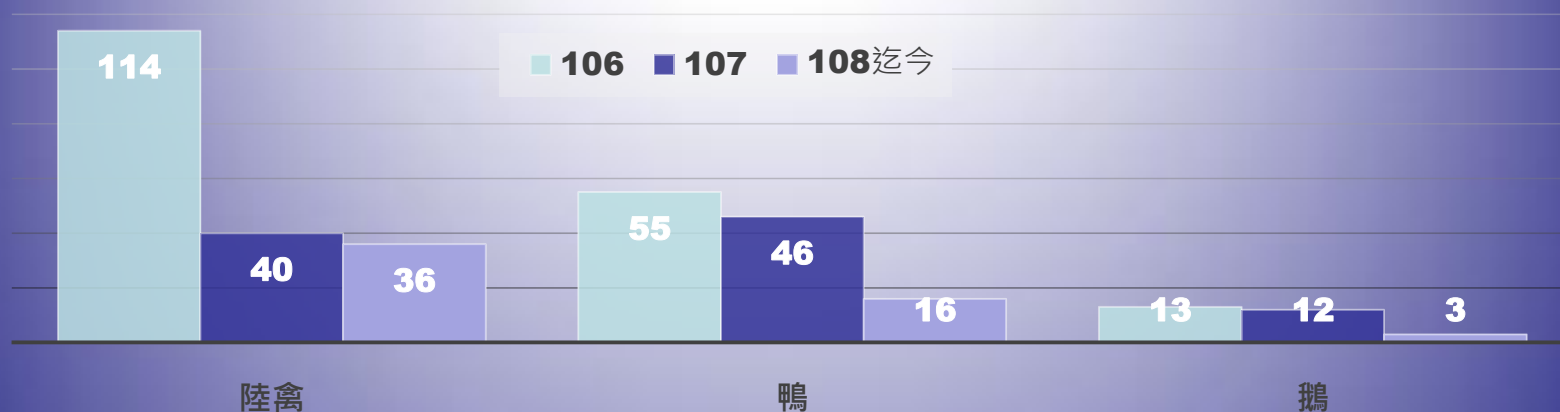
季節交替 禽流感防疫措施 說明記者會



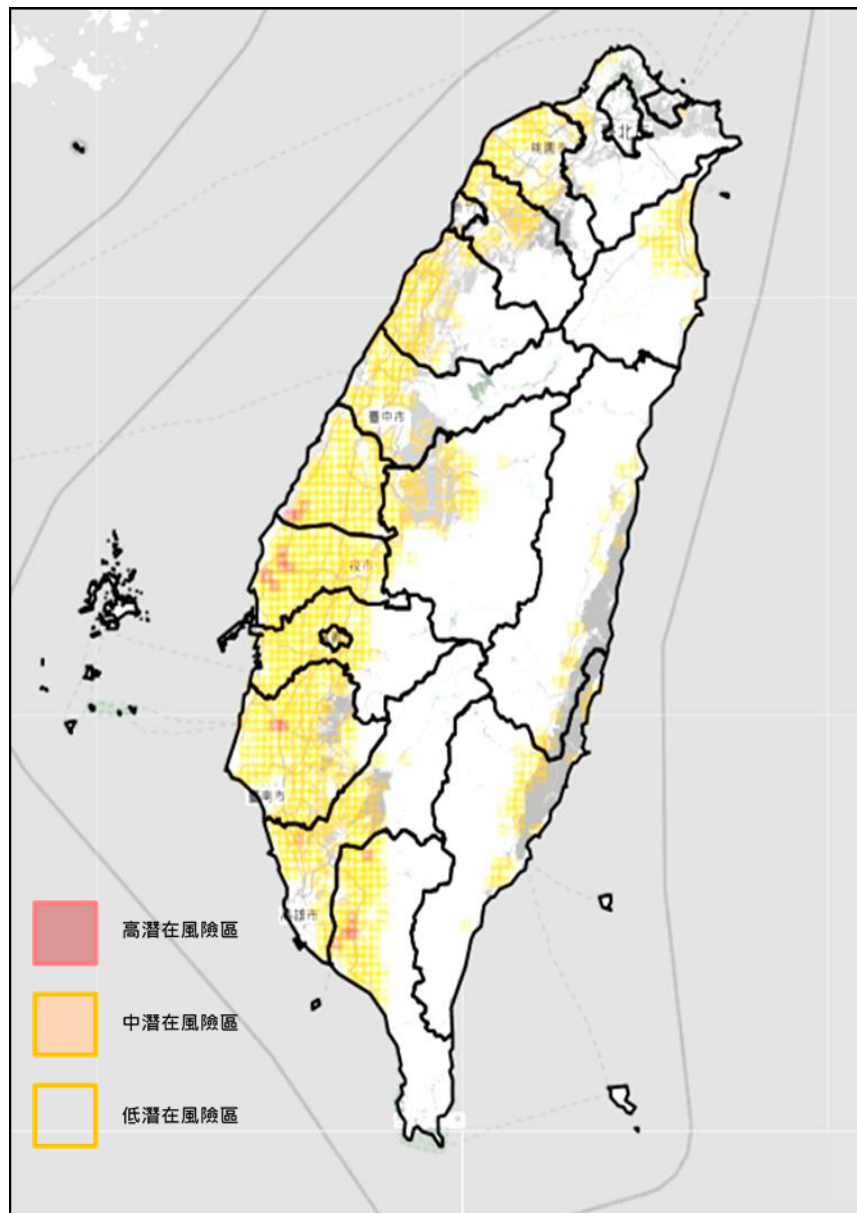
國內禽流感疫情現況

年度及樣態		合計	病毒型別 (場數)
106	撲殺場數	182	H5N2(150)、H5N8(10)、 <u>H5N6(12)*</u> 、 H5(7)、H5N2&H5N8(3)
	撲殺隻數	1,712,530	
107	撲殺場數	98	H5N2(93)、 <u>H5N8 (1) **</u> 、H5(4) H5N6病毒106.3.6後未再檢出 H5N8病毒107.1.31後未再檢出
	撲殺隻數	690,801	
108 迄今	撲殺場數	55 (107年同期86場)	H5N2 (54)、H5N5 (1)
	撲殺隻數	696,355	

發生禽種比較圖



禽流感風險預警地圖



潛在風險區說明：

依據 104-106 年 HPAI 確診禽場所在地地理資訊分析劃分 3 公里網格(3km grid)，即面積 9km² 風險區，並計算其風險數值(中興大學趙黛瑜教授研究成果)，4 大顯著環境風險因子如下：

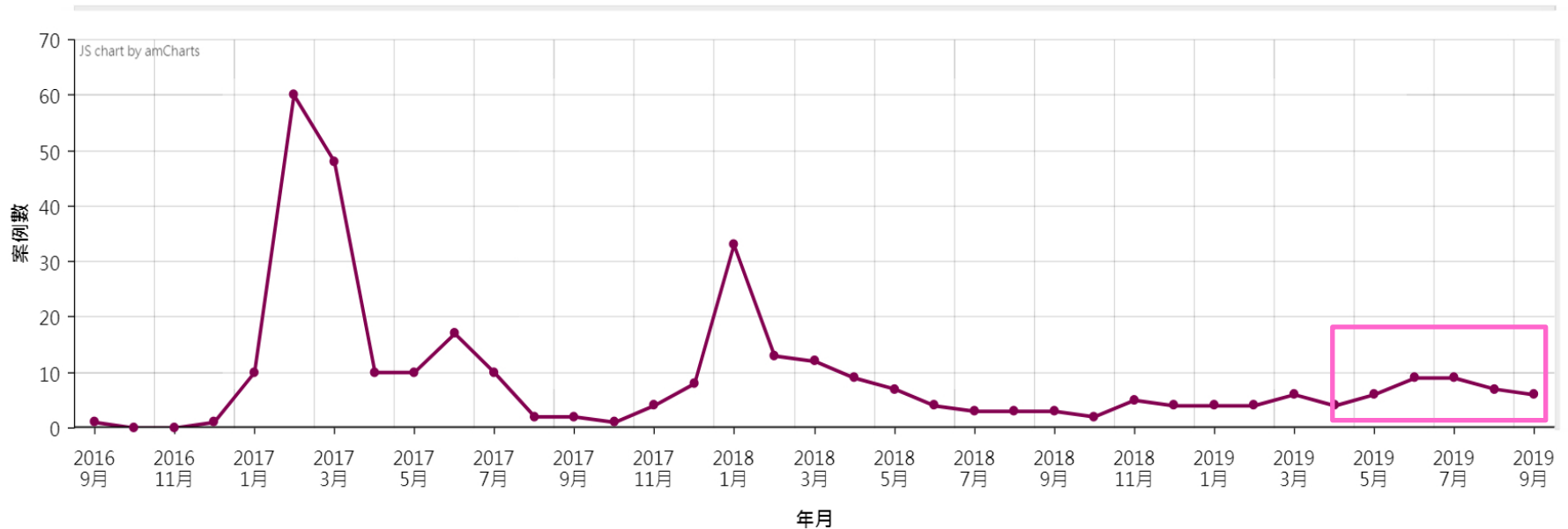
1. 登記禽場密度(畜牧處登記禽場)
2. 未登記水禽場密度(農試所衛星影像判釋圖資)
3. 水陸禽場異質比[計算方式=水禽場/(水禽場+陸禽場)]
4. 非水稻農田作物覆蓋率(農試所衛星影像判釋圖資)

全臺高風險縣市列表

5 大 高風險 縣市	高潛在 風險區 (個)	縣市內 所涵蓋 鄉鎮市區(個)	鄉鎮市區 名稱
彰化縣	3	3	大城鄉、芳苑鄉、二林鎮
雲林縣	6	5	東勢鄉、四湖鄉、麥寮鄉、臺西鄉、褒忠鄉
臺南市	2	3	麻豆區、下營區、學甲區
高雄市	1	2	阿蓮區、路竹區
屏東縣	6	9	萬丹鄉、竹田鄉、新園鄉、高樹鄉、潮州鎮、麟洛鄉、屏東市、里港鄉、崁頂鄉
全臺總計	18	22	-

※表格內高風險縣市由北至南排列；鄉鎮市區排列依高風險區涵蓋面積排列。

2016年9月至2019年同期HPAI案例數



實施高飼養量縣市鴨場強化檢驗-1

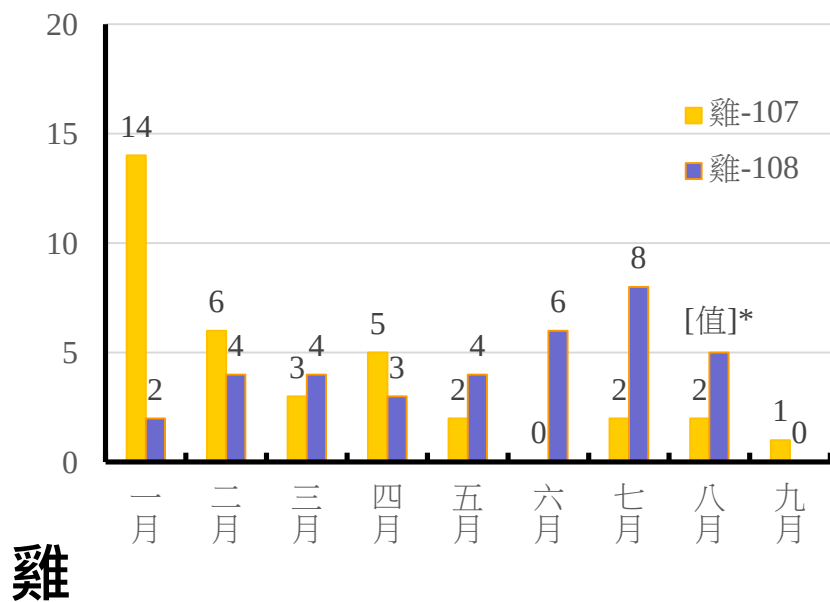
- 近年HPAI案場主要集中於熱區
 - 107年94% (92/98)
 - 108年迄今98% (54/55)
- 監測時間：108.08.23 ~ 108.09.12 (季節交替前)
- 監測對象：6縣市共30場鴨場

主動檢出H5N5高病原性禽流感案例 目前顯示病毒並未擴散

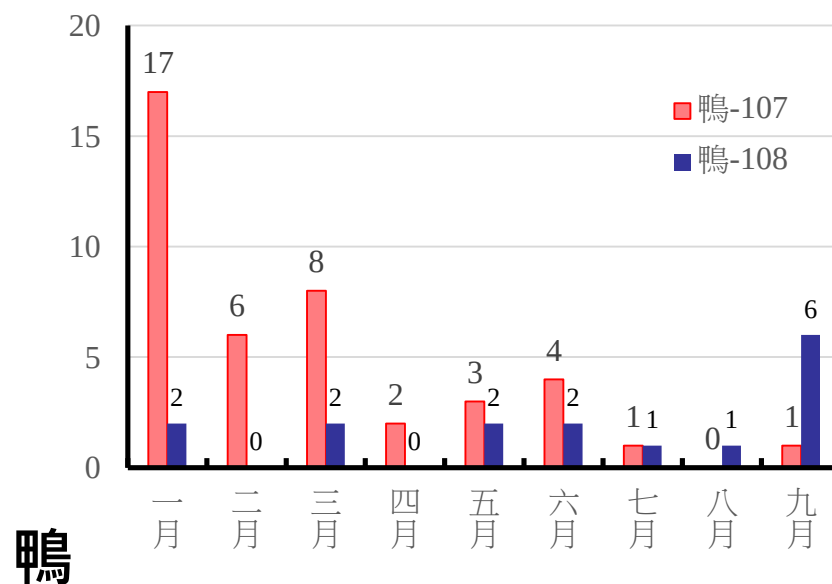
- 檢出地點：高雄市旗山區1土番鴨場
- 採樣日期：108.09.09
- 確診日期：108.09.12
- 撲殺隻數：計3,583隻土番鴨
- 說明：108.09.12經家畜衛生試驗所確診H5亞型高病原性禽流感後，高雄市動保處於當日完成鴨隻撲殺銷燬及禽場清潔消毒。
- 已完成案例場周邊3公里禽場共計5場檢驗禽流感病毒陰性，顯示病毒並未擴散

雞鴨病例檢驗結果

H5高病原性禽流感陽性案例(時間/禽別)



統計至9月15日：107年40場，108年35場



統計至9月15日：107年46場，108年16場

更新至9月15日

H5N5亞型病毒株的HA基因序列比對

GenBank資料庫

HA序列相近於自 104 年入侵台灣，並流行於國內的高病原性 H5Nx 亞型禽流感病毒 2.3.4.4 分支 subgroup A

A/Bulbul/Taiwan/01156/2015(H5N3)
A/thrush/Taiwan/A234/2015(H5N2)
A/night heron/Taiwan/A289/2015(H5N2)
A/goose/Taiwan/01039/2015(H5N8)

	Description	Max Score	Total Score	Query Cover	E value	Per. Ident
✓	influenza A virus (A/turkey/Minnesota/15-010856-1/2015(H5N2)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/environment/Minnesota/E16/2015(H5N2)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/environment/Minnesota/E15/2015(H5N2)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/Bulbul/Taiwan/01156/2015(H5N3)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/thrush/Taiwan/A234/2015(H5N2)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/night heron/Taiwan/A289/2015(H5N2)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%
✓	influenza A virus (A/goose/Taiwan/01039/2015(H5N8)) segment 4 hemagglutinin (HA) gene, complete cds	579	579	100%	3e-161	98.19%

H5N5亞型病毒株的NA基因序列比對

GenBank資料庫

NA基因序列相近於歐亞大陸廣泛分佈的野鳥的 HxN5 亞型禽流感病毒。

[A/shoveller duck/Shanghai/PD1018-32/2017\(H6N5\)](#)

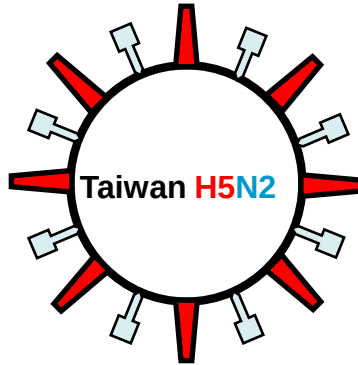
✓	Sequence	Length	Identical	Similarity	Score	Accession
✓	Influenza A virus (A/shoveller duck/Shanghai/PD1018-32/2017(H6N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, partial cds	257	257	99%	7e-65	96.18% MH352262.1
✓	Influenza A virus (A/duck/Mongolia/850/2018(H12N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	252	252	99%	3e-63	95.54% MK979052.1
✓	Influenza A virus (A/duck/Mongolia/703/2018(H12N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	252	252	99%	3e-63	95.54% MK978994.1
✓	Influenza A virus (A/duck/Mongolia/656/2018(H12N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	252	252	99%	3e-63	95.54% MK978986.1
✓	Influenza A virus (A/duck/Guangxi/GXd-1/2009(H6N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	252	252	99%	3e-63	95.54% JX293561.1
✓	Influenza A virus (A/duck/Guangxi/052/2010(H6N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	246	246	99%	2e-61	94.90% KT266908.1
✓	Influenza A virus (A/migratory duck/Jiangxi/6847/2003(H10N5)) segment 6 neuraminidase (NA) gene, complete cds	246	246	99%	2e-61	94.90% KP288016.1
✓	Influenza A virus (A/mallard/Sweden/80329/2008(H11N5)) neuraminidase (NA) gene, partial cds	246	246	99%	2e-61	94.90% CY186398.1
✓	Influenza A virus (A/mallard/Sweden/68529/2007(H12N5)) neuraminidase (NA) gene, complete cds	246	246	99%	2e-61	94.90% CY184057.1

H5N5病毒可能的來源

歐亞大陸
的野鳥
HxN5 亞
型禽流感
病毒



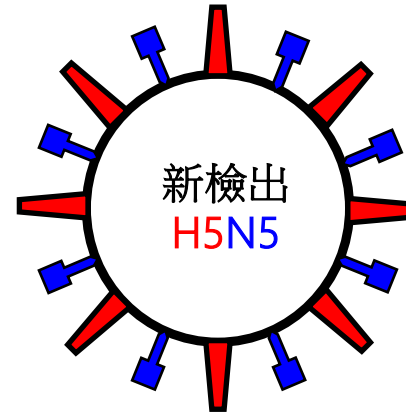
+



104 年入侵台灣的 H5N2 亞
型禽流感病毒
(2.3.4.4 分支 subgroup A)



野鳥 H5N5 亞型
禽流感病毒



鴨場主動監測檢
出 H5N5 亞型禽
流感病毒
(2.3.4.4 分支
subgroup A)

- HA序列相近於自 104 年入侵台灣，並流行於國內的高病原性 H5Nx 亞型禽流感病毒 2.3.4.4 分支 subgroup A
- NA基因序列相近於歐亞大陸廣泛分佈的野鳥的 HxN5 亞型禽流感病毒

H5N5亞型HPAI之防疫作為

- 案例場周邊半徑1公里內範圍
 - 計2禽場（1鴨場檢驗陰性，1鴨場停養）
 - 進行3個月、2輪採樣監測。
- 案例場周邊半徑1～3公里範圍
 - 計9禽場（4禽場檢驗陰性、5場停養）
 - 進行3個月、1輪採樣監測、2輪臨場訪視
- 3個月監測訪視無病毒活動後，回復一般防疫作為

後續防疫作為

- 請產業團體督導所轄相關產業飼養業者積極並確實執行禽場清潔消毒作業，以有效降低飼養環境之病原阻斷病原擴散的途徑
- 原有每年進行之水禽主動監測（每年約140場），集中於禽流感發生熱區進行採樣。

預計可能清除時間

- 案例場確診日期：108.09.12
- 預計通報節案日期：108.12.12
 - 案例場周邊半徑3公里禽場經3個月、2輪監測訪視，未發現病毒活動。
 - 全國禽場未再發現H5N5案例。